

BON DE DEMANDE D'ANALYSES DE BIOLOGIE MOLECULAIRE DES TUMEURS SOLIDES

Cette demande doit impérativement être accompagnée d'un prélèvement conforme au manuel de prélèvement et de la copie du compte-rendu anapath correspondant

Date de la demande :

Identification du patient :

Nom : Prénom :
Nom de naissance (obligatoire) : Date de naissance : Sexe : H F

Identification du prélèvement :

N° du prélèvement transmis : Date du prélèvement :
Type histologique et état tumoral (primitif, métastase, origine) :

Type de prélèvement : pièce opératoire biopsie sang → préciser heure de prélèvement :
liquide biologique :

Fixateur utilisé : formol autre fixateur : frais congelé

Contexte clinique: diagnostic initial
en progression clinique → préciser traitement en cours :
autres:.....

Situation : néoadjuvante adjuvante métastatique autres :

Médecin prescripteur : **N° RPPS (mention obligatoire) :**

Etablissement de santé de rattachement (renseignement obligatoire, à défaut l'ensemble des examens sera facturé à l'envoyeur)¹:

N° FINESS (mention obligatoire) :

Adresse :

Tel : Fax :

Le prescripteur est tenu d'informer le patient que les analyses de génétique tumorale peuvent mener à la découverte fortuite de variants de prédisposition au cancer.

Pathologiste ayant établi le diagnostic:

Adresse :

Tel : Fax :

Autre destinataire du compte rendu:

Adresse :

Tel : Fax :

IMPORTANT : Conformément à l'instruction DGOS/PF4/DSS/1A/2018/101 du 16 avril 2018, les analyses selon la nomenclature LAHN sont facturées à l'établissement de santé du prescripteur et ne peuvent être en aucun cas facturées au patient assuré social.

La demande d'examen fait foi de bon de commande et vaut engagement de l'établissement de santé du prescripteur à honorer la facture émise par l'établissement exécutant l'analyse.

Cachet et signature du prescripteur portant mention de l'établissement de santé de rattachement (obligatoire)

• **BIOPSIE LIQUIDE:**

Renseignements obligatoires : Localisation primitive : Indication :

Recherche de **variants** AKT1, ALK, ATM, BRAF, BRCA1, BRCA2, CD274, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, GNA11, GNAQ, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PALB2, PDGFRA, PIK3CA, POLE, PTEN, RB1, RET, ROS1, SMARCA4, STK11, TP53 **et fusions** ALK, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NTRK1, RET, ROS1 (NGS DNaseq^{2,3}) - LAHN N453 ou V002 (poumon).

• **CANCERS BRONCHIQUES NON-A-PETITES CELLULES (CBNPC)**

Tabac : non ou ≤ 10 PA >10 PA **Contexte :** diagnostic initial progression : précisez traitement.....

Biomarqueurs selon les recommandations CBNPC métastatiques de la HAS (**variants et fusions** - NGS RNASeq + DNaseq^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + V001 x2).

Recherche de fusions uniquement (NGS RNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201+V001.

Recherche de variants uniquement (NGS DNaseq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + V001.

Recherche rapide ciblée EGFR⁴ - Biomarqueurs recommandations traitement adjuvant CBNPC ESMO 2025 (n'inclut pas la mutation de résistance EGFR C797S) - ZZQX129 + NABM 4510.

Recherche rapide ciblée KRAS G12C⁴ - ZZQX129 + LAHN N408.

• **CANCERS COLORECTAUX**

Biomarqueurs selon les recommandations ESMO (**variants, fusions et statut MSI** - NGS RNASeq + DNaseq + MSI^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 x2 + N500).

Recherche de variants seulement et statut MSI (NGS DNaseq + MSI^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 + N500.

Recherche d'instabilités des microsatellites (MSI)⁴ - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N500.

Recherche de méthylation du promoteur de MLH1³ et recherche ciblée BRAF V600⁴ - ZZQX129/ZZQX201 + NABM 4512 + LAHN N533.

Recherche rapide ciblée KRAS, NRAS et BRAF V600⁴ - ZZQX129 + NABM 4511 et 4512.

RAPPEL : Identification du patient :

Nom : Prénom :
Nom de naissance (obligatoire) : Date de naissance :

• **CANCERS OVAIRE⁵**

Biomarqueurs ovaire selon les recommandations Saint Paul de Vence (NGS DNASeq HRD^{2,6} incluant BRCA1/2, autres gènes HRR et recherche d'instabilité génomique/statut HRD) - ZZQX129/ZZQX201 + NABM 4513.

• **MELANOMES**

Biomarqueurs mélanomes selon les recommandations ESMO (NGS DNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452).
Recherche rapide ciblée NRAS et BRAF V600⁴ - ZZQX129 + NABM 4512.

• **CANCERS SEIN**

Recherche de variants selon les recommandations ESMO incluant AKT1, PIK3CA, ESR1, ERBB2, BRCA1/2 (NGS DNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452.

• **CANCERS PANCREAS**

Recherche de variants BRCA1/2, de fusions NTRK1/2/3 et d'instabilité des microsatellites (NGS RNASeq + DNASeq + MSI^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 x2 + N500).

• **CANCERS PROSTATE**

Recherche de variants BRCA1/2 (NGS DNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452.
Recherche de variants des gènes HRR incluant BRCA1/2 (NGS DNASeq HRD^{2,6}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N454

• **GIST**

Biomarqueurs GIST selon les recommandations de la HAS incluant les variants KIT, PDGFRA et fusions NTRK (NGS RNASeq + DNASeq^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + V001 x2).
Recherche de variants KIT et PDGFRA (NGS DNASeq^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + V001).

• **CANCERS ENDOMETRE**

Biomarqueurs selon les recommandations Saint Paul de Vence (POLE, TP53) - NGS DNASeq^{2,3} ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 + N500.
Recherche d'instabilités des microsatellites (MSI)⁴ et d'hyperméthylation du promoteur du gène MLH1³ - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N500 + N533.

• **SARCOMES**

Recherche de fusions Sarcome (NGS RNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N453.

• **LYMPHOMES**

Réarrangements³: Lymphocytes B (ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N400) Lymphocytes T (ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N404)

• **CANCERS THYROÏDE**

Recherche rapide ciblée BRAF V600⁴ - ZZQX129 + LAHN N501.
Recherche rapide ciblée KRAS et NRAS⁴ - ZZQX129 + LAHN N523.
Recherche de variants incluant KRAS, NRAS, BRAF, RET (NGS DNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452.
Recherche de fusions RET (NGS RNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452.

• **CANCERS DES VOIES BILIAIRES**

Recherche de variants IDH1/2, de variants et fusions FGFR1/2/3 et statut MSI (NGS RNASeq + DNASeq + MSI^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 x2 + N500).

• **CANCERS UROTHELIAUX**

Recherche de variants et fusions FGFR1/2/3 (NGS RNASeq + DNASeq^{2,3}) - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452 x2.

• **TUMEURS CEREBRALES**

Méthylation du promoteur MGMT³ - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N532.
Méthylome⁷ - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N453.
Recherche de variants BRAF, IDH1, IDH2, H3F3A, CTNNB1, TERT, EGFR et TP53 (NGS DNASeq^{2,3} - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N452).
Recherche d'instabilités microsatellitaires (MSI)³ - ZZQX129/ZZQX201 + LAHN N500.

• **PANEL LARGE CGP^{2,3}**

Analyse interne sur tissus (>500 gènes), analyse externalisée sur sang (324 gènes) - ZZQX129/ZZQX201 (tissu) + LAHN N454.

Localisation primitive : Stade de la maladie :

• **AUTRES (PRECISER L'INDICATION)**

⁵ A défaut d'identification de l'établissement demandeur à facturer (ou si des actes hors nomenclatures sont réalisés), le laboratoire de Biologie Moléculaire des Tumeurs facturera à l'envoyeur l'ensemble des examens réalisés, conformément aux dispositions réglementaires applicables. L'envoyeur est donc responsable de la qualité et de l'exhaustivité des informations saisies et transmises, seules à même de garantir la facturation des analyses réalisées.

² Pour le détail des gènes et exons couverts par les panels NGS, merci de vous référer au manuel de prélèvement dans le cadre des analyses de biologie moléculaire en pathologie tumorale, disponible sur <https://www.icl-lorraine.fr/je-suis-un-professionnel/biopathologie-demande-dexamens/>.

³ Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 15 jours suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.

⁴ Recherche uniquement des variants hotspots du(des) gène(s) étudié(s). Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 7 jours suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée. Le laboratoire se réserve le droit de modifier la demande en NGS (V001 ou LAHN N452) si l'échantillon transmis ne remplit pas les critères pré-analytiques nécessaires.

⁵ Si une consultation d'oncogénétique n'est pas encore réalisée ou prévue, celle-ci est à envisager dans les plus brefs délais.

⁶ Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 6 semaines suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.

⁷ Le résultat de l'analyse sera communiqué dans un délai de 3 semaines suivant la réception du prélèvement. Le bloc sera restitué dès l'analyse terminée.